

Статьи:

1. Kovalev S. Y. , Mazurina E. A. , Yakimenko V. V. Molecular variability and genetic structure of Omsk hemorrhagic fever virus, based on analysis of the complete genome sequences // Ticks Tick Borne Dis. . 2021 Mar;12(2): doi: 10.1016/j.ttbdis. 2020. 101627.
2. Kovalev S. Y., Yakimenko V. V. Kama virus (KAMV) is an atypical representative of the seabird tick-borne flaviviruses // Virus Genes <https://doi.org/10.1007/s11262-021-01849-6>.
3. Rar V., Yakimenko V., Tikunov A., Vinarskaya N., Tancev A., Babkin I., Epikhina T., Tikunova N. Genetic and morphological characterization of *Ixodes apronophorus* from Western Siberia, Russia // Ticks and Tick-borne Diseases. V. 11, 2020, DOI: 10.1016/j.ttbdis.2019.101284.
4. Igolkina, Y.; Yakimenko, V.; Tikunov, A.; Epikhina, T.; Tancev, A.; Tikunova, N.; Rar, V. Novel Genetic Lineages of Rickettsia helvetica Associated with *Ixodes apronophorus* and *Ixodes trianguliceps* Ticks. Microorganisms 2023, 11, 1215. <https://doi.org/10.3390/microorganisms11051215>.

Монографии:

1. Трансмиссивные вирусные инфекции Западной Сибири (региональные аспекты эпидемиологии, экологии возбудителей и вопросы микроэволюции) /Якименко В.В.[и др.] - Омск: Издательский центр КАН, 2019.- 304 с. ISBN 978-5-907156-30-2.
2. The Major Rivers and the Genesis of the Recent Area of Ticks *Ixodes persulcatus* in Western Siberia. (Yakimenko V.). In : Parasite and Disease Spread by Major Rivers on Earth (eds. Mehlhorn, Heinz, Klimpel, Sven). Springer. 2019.P. 367-381. ISBN 978-3-030-29061-0.
3. Фауна иксодовых клещей в очагах клещевого энцефалита (Якименко В.В., Богданов И.И.). В кн.: Клещевой энцефалит в XXI веке. М.:Наука, 2021. С.212-240. ISBN 978-5-02-040852-4.