

**Отзыв научного руководителя  
на соискателя ученой степени кандидата биологических наук Драчкову  
Ирину Альбертовну,  
выполнившую диссертационную работу «ВЛИЯНИЕ АССОЦИИРОВАННЫХ С  
НАСЛЕДСТВЕННЫМИ ЗАБОЛЕВАНИЯМИ ОДНОНУКЛЕОТИДНЫХ ЗАМЕН В  
ТАТА-БОКСАХ НА ВЗАИМОДЕЙСТВИЕ С ТАТА-СВЯЗЫВАЮЩИМ БЕЛКОМ» по  
специальности 03.01.03 – молекулярная биология**

Драчкова Ирина Альбертовна окончила Новосибирский государственный университет по специальности «Биология», соответствующий диплом о высшем профессиональном образовании выдан в 2000 году. После окончания университета работает в секторе молекулярно-генетических механизмов белок-нуклеиновых взаимодействий ФИЦ ИЦиГ СО РАН, сначала в должности ведущего инженера, а затем младшего научного сотрудника.

С начала трудовой деятельности в ИЦиГ СО РАН Драчкова И.А занимается экспериментальным исследованием белков базального транскрипционного комплекса РНК-полимеразы II. С 2007 г. научный интерес исследователя сосредоточен на ТАТА-связывающем белке.

Драчкова И.А. зарекомендовала себя самостоятельным квалифицированным специалистом, в научной деятельности проявляет независимость и аналитическое мышление. При выполнении работы проявила себя как вдумчивый исследователь, владеет современными экспериментальными методами анализа кинетики образования и распада ДНК-белковых комплексов, такими как метод поверхностного плазмонного резонанса, метод остановленной струи, метод количественного EMSA. С ответственностью относится к качеству экспериментальных данных и их анализу. Доброжелательна к коллегам.

По теме диссертации опубликовано 24 научных работ, из них 24 в рецензируемых журналах, включенных в перечень ВАК. Всего в соавторстве с Драчковой И.А опубликовано 30 статей. На базе экспериментальных данных, полученных Драчковой И.А., создан WEB-сервис SNP\_TATA\_COMPARATOR <http://beehive.bionet.nsc.ru/cgi-bin/mgs/tatascan/start.pl>, позволяющий оценивать сродство промоторной области генов человека (-20-70) к ТАТА-связывающему белку. Сервис работает с последовательностями из базы данных Gencode и позволяет сравнивать каноническую последовательность референсного генома и индивидуальную последовательность, несущую замену, что может

быть использовано для доклинической проверки SNPs ТАТА-боксов на функциональную значимость.

Автореферат и опубликованные работы в полной мере отражают содержание диссертации. Научные положения, выносимые на защиту, и выводы обоснованы и соответствуют содержанию работы Драчковой И.А. Научная подготовка, методическая квалификация и уровень проведенных исследований, без сомнения, соответствуют требованиями, предъявляемым к работам при присуждении степени кандидата биологических наук.

Научный руководитель  
зав. сектором  
молекулярно-генетических  
механизмов белок-нуклеиновых  
взаимодействий, к.б.н.

*Л.К. Савинкова*

Ученый секретарь ФГБНУ «ФИЦ ИЦН СО РАН», к.б.н.

*Г.В. Орлова*

*07.04.2012*

